

トランスレーショナルリサーチ推進研究部門

Translational Research

情報科学分野

Chemo-Bioinformatics

特命准教授 奥 牧人 Makito Oku

◆ 原 著

- 1) Oku M. Network analysis of kampo formulas based on crude drug composition and indications. Trad Kampo Med. 2019 Oct; 6(3): 139-47. DOI: 10.1002/tkm2.1229.
- 2) Koizumi K, Oku M, Hayashi S, Inujima A, Shibahara N, Chen L, Igarashi Y, Tobe K, Saito S, Kadowaki M, Aihara K. Identifying pre-disease signals before metabolic syndrome in mice by dynamical network biomarkers. Sci Rep. 2019 Jun; 9(1):8767. DOI: 10.1038/s41598-019-45119-w.
- 3) Oku M. Two novel methods for extracting synchronously fluctuated genes. TBIO. 2019 Mar; 12:9-16. DOI: 10.2197/ipsjtbio.12.9.

◆ 学会報告

- 1) Oku M. Bubbloid algorithm: A simple method for generating bubble-like line drawings. IIAI AAI 2019; 2019 Jul 7; Toyama.
- 2) 奥牧人. KampoDB の結合シミュレーション結果の概説. 第 59 回バイオ情報学研究会 ; 2019 Sep 8 ; 東京.
- 3) 奥牧人. 構成生薬および効能に基づく漢方処方のネットワーク分析. 第 36 回和漢医薬学会学術大会 ; 2019 Aug 31 ; 富山.
- 4) 奥牧人. 二次多項式近似による臨界遷移確率の推定. 非線形問題研究会 ; 2019 Mar 15 ; 福井.
- 5) 奥牧人. もう一つの主成分分析に基づく同期性揺らぎ遺伝子抽出法. 第 57 回バイオ情報学研究会 ; 2019 Mar 8 ; 能美.